

第一回 ExCELLS シンポジウム

10月15日(月)

13:00	受付	座長
13:20	開会の挨拶 井本敬二(生理研) / 加藤晃一(ExCELLS/分子研)	西田基宏
13:30	加藤晃一(ExCELLS/分子研) 生命分子の動秩序形成と機能創発	椎名伸之
13:55	稲垣直之(奈良先端大) 軸索ガイダンスと細胞移動の分子メカニクス	
14:25	東島眞一(ExCELLS/基生研) ゼブラフィッシュを用いた、脊髄・脳幹運動系神経回路の解析	
14:50	望月敦史(京都大) 生命システムの振る舞いをネットワークの形だけから予測する	
15:20	休憩	
15:35	佐藤啓文(京都大) 自己集合過程の分子理論	青野重利
16:05	奥村久士(ExCELLS/分子研) 分子動力学シミュレーションで探るタンパク質凝集体の構造変化	
16:30	椎名伸之(ExCELLS/基生研) 脳の健康と疾患の基盤となるRNA顆粒の形成機構	
16:55	内山進(大阪大/ExCELLS) 蛋白質の科学と工学における質量分析の役割	
17:20	休憩	
17:35	本田直樹(京都大) 生体イメージングで観測される時空間ダイナミクスの階層的モデリング	青木一洋
17:40	黒川洵子(静岡県立大) 興奮性細胞創成に向けた細胞膜ポテンシャルによる組織分化誘導技術の開発	
17:45	島田奈央 ¹ , 青木一洋 ² , 野中茂紀 ² , 澤井哲 ¹ (1 東京大, 2ExCELLS) 細胞動態の可塑性操作による細胞集団の人工構築に向けて	
17:50	広井賀子(山口東京理科大) 温度環境操作で細胞間ネットワーク形成を制御する	
17:55	石谷太(群馬大) 生命活動休止システム「休眠」の分子基盤と意義の解明	
18:00	ポスター発表	
18:30	懇親会	東島眞一

10月16日（火）

9:00	西田基宏（ExCELLS/生理研） レドックスシグナルから読み解く生命機能	古賀信康
9:25	富永真琴（ExCELLS/生理研） 温度感受性 TRP チャンルの生理機能	
9:50	野中茂紀（ExCELLS/基生研） 哺乳類発生における左右性の初期決定機構の解析	
10:15	休憩	
10:30	颯田葉子（総研大） 人類進化－環境とゲノム－	高田慎治
11:00	内橋貴之（名古屋大/ExCELLS） 高速 AFM 技術で読み解く生体試料のマルチスケール動態	
11:25	古賀信康（ExCELLS/分子研） タンパク質の合理設計：ゼロからの創成と天然物の改変	
11:50	昼食休憩(40分)	
12:30	青木一洋（ExCELLS/基生研） 細胞内シグナル伝達系の定量的な理解に向けて	富永真琴
12:55	青野重利（ExCELLS/分子研） コリネバクテリアが有するヘム取り込みシステムの構造と機能	
13:20	高田慎治（ExCELLS/基生研） Wnt シグナルの作用範囲を決める分子基盤	
13:45	郷康広（ExCELLS/生理研） 脳・こころの個性・多様性理解に向けた比較認知ゲノム研究	
14:10	閉会の挨拶 加藤晃一（ExCELLS/分子研）	奥村久士

※時間は目安であり、多少前後する可能性があります。

世話人：西田・東島・奥村

1st ExCELLS Symposium

October 15

13:00	registration	chair
13:20	Opening Keiji Imoto (NIPS) / Koichi Kato (ExCELLS/IMS)	Motohiro Nishida
13:30	Koichi Kato (ExCELLS/IMS) Biomolecular organization for creation of integrated functions	Nobuyuki Shiina
13:55	Naoyuki Inagaki (NAIST) Molecular mechanics of axon guidance and cell migration	
14:25	Shin-ichi Higashijima (ExCELLS/NIBB) Functional analysis of locomotor circuits in the spinal cord and brainstem in zebrafish	
14:50	Atsushi Mochizuki (Kyoto Univ.) Determining dynamical behaviors of complex biological systems from structures of networks	
15:20	Break	
15:35	Hirofumi Sato (Kyoto Univ.) Molecular theories for self-assembly	Shigetoshi Aono
16:05	Hisashi Okumura (ExCELLS/IMS) Conformational change of protein aggregates studied by molecular dynamics simulations	
16:30	Nobuyuki Shiina (ExCELLS/NIBB) Molecular mechanism of RNA granule assembly implicated in brain health and disease	
16:55	Susumu Uchiyama (Osaka Univ./ExCELLS) Roles of mass spectrometry in protein science and engineering	
17:20	Break	
17:35	Naoki Honda (Kyoto Univ.) Hierarchical modeling of spatiotemporal dynamics on live imaging	Kazuhiro Aoki
17:40	Junko Kurokawa (Univ. Shizuoka) Generation of matured excitable cells by controlling membrane potentials	
17:45	Nao Shimada ¹ , Kazuhiro Aoki ² , Shigenori Nonaka ² , Satoshi Sawai ¹ (¹ Univ Tokyo, ² ExCELLS) Towards construction of artificial cell networks based on directed cell motility	
17:50	Noriko F Hiroi (Sanyo-Onoda City Univ./Tokyo Univ. of Science, Yamaguchi) Move & Connect; Wiring cellular network with thermal environment control	
17:55	Tohru Ishitani (Gunma Univ.) Molecular basis underlying "Diapause", the systems suspending vital activities	
18:00	Poster	
18:30	Banquet	Shin-ichi Higashijima

October 16

9:00	Motohiro Nishida (ExCELLS/NIPS) Elucidating living function by redox biology	Nobuyasu Koga
9:25	Makoto Tominaga (ExCELLS/NIPS) Physiological Function of Thermosensitive TRP channels	
9:50	Shigenori Nonaka (ExCELLS/NIBB) Initial determination of left-right asymmetry in mammalian development	
10:15	Break	
10:30	Yoko Satta (SOKENDAI) What makes us humans ? - Environment and Genome -	Shinji Takada
11:00	Takayuki Uchihashi (Nagoya Univ./ExCELLS) Multiscale dynamics in biological specimens deciphered by high-speed AFM	
11:25	Nobuyasu Koga (ExCELLS/IMS) Protein Design: Create from scratch and Remodel natural proteins	
11:50	Lunch Break (40min.)	
12:30	Kazuhiro Aoki (ExCELLS/NIBB) Toward quantitative understanding of intracellular signal transduction	Makoto Tominaga
12:55	Shigetoshi Aono (ExCELLS/IMS) Structure and function of heme uptake machinery in Corynebacteria	
13:20	Shinji Takada (ExCELLS/NIBB) Molecular basis to determine the action range of Wnt signal	
13:45	Yasuhiro Go (ExCELLS/NIPS) Comparative cognitive genomics for deciphering brain/mind individuality and biodiversity	
14:10	Closing Koichi Kato (ExCELLS/IMS)	Hisashi Okumura

Organizers: Nishida, Higashijima, Okumura